

DOI:10.7524/AJE.1673-5897.20181112002

杜森,张黎. 砷在海洋食物链中的生物放大潜力及发生机制探讨[J]. 生态毒理学报,2019,14(1):54-66

Du S, Zhang L. Biomagnification potential and the mechanisms of arsenic in marine food chains [J]. Asian Journal of Ecotoxicology, 2019, 14(1): 54-66 (in Chinese)

砷在海洋食物链中的生物放大潜力及发生机制探讨

杜森1,2, 张黎1,*

1. 中国科学院南海海洋研究所,中国科学院热带海洋生物资源与生态重点实验室,广州 510301

2. 中国科学院大学,北京 100049

收稿日期:2018-11-12 录用日期:2019-01-09

摘要: 砷是世界范围内危害最大的环境污染物之一,也是近海区域一种常见污染物。本文综述了近年来砷在海洋生态系统中 累积、转化及传递的最新研究进展。海洋生物普遍具有较高含量的砷,这些砷主要为低毒性的有机砷形态。砷在许多海洋食 物链/网中被生物放大,造成高营养级生物中的砷富集,可对生物与人类健康产生潜在危害;这与砷在淡水食物链/网中普遍被 生物减小的现象形成鲜明对比。海洋鱼类和贝类等生物可将吸收的无机砷通过生物转化合成砷甜菜碱等有机砷形态,而有 机砷比无机砷具有更高的食物链传递能力,可导致海洋鱼类富集更高浓度的砷。因此,砷在海洋生物中的有机形态可能有助 于砷沿着海洋食物链/网富集,在某些情况下被生物放大。今后应该加强对不同砷形态在海洋食物链/网中传递及相应影响因 素的研究,并通过室内模拟实验与野外调查相结合进行验证,从而加深对砷的生态毒理和生物地球化学作用的科学认识,对 准确评估预测砷的生态风险和保障海洋生态安全有重要意义。

关键词: 砷;食物链;海洋;生物放大;形态

文章编号: 1673-5897(2019)1-054-13 中图分类号: X171.5 文献标识码: A

Biomagnification Potential and the Mechanisms of Arsenic in Marine Food Chains

Du Sen^{1,2}, Zhang Li^{1,*}

1. Key Laboratory of Tropical Marine Bio-resources and Ecology, South China Sea Institute of Oceanology, Chinese Academy of Sciences, Guangzhou 510301, China

2. University of Chinese Academy of Sciences, Beijing 100049, China Received 12 Neuromber 2018

Received 12 November 2018 accepted 9 January 2019

Abstract : Arsenic (As) is one of the most hazardous environmental pollutants and widely exists in the coastal area. This paper reviews the bioaccumulation, biotransformation and trophic transfer of As in marine ecosystems. Marine organisms usually accumulate high level of As mainly in low-toxic organic species. As could be biomagnified a-long some marine food chains/webs, resulting in the high bioaccumulation in higher trophic levels and potential harm to these organisms. In contrast, As is commonly biodiminished in freshwater food chains/webs. Marine fish and shellfish could biotransform inorganic As to organic species, especially to arsenobetaine, which have higher trophic transfer ability and then cause high As bioaccumulation. As biomagnification is probably related to the high

基金项目:国家自然科学基金面上项目(41876133),国家重点基础研究发展计划项目(2015CB452904)

作者简介:杜森(1992-),男,博士研究生,研究方向为海洋生态毒理学,E-mail: dusen14@mails.ucas.ac.cn

^{*} 通讯作者(Corresponding author), E-mail: zhangli@scsio.ac.cn

content of organic As species in marine organisms. The future research should pay more attention to the biomagnification potential of specific As species by the combination of field investigation and indoor experiments. It will be helpful for the better understanding of the ecotoxicology and biogeochemistry of As, the assessment of the ecological risks of As, and the safeguard of the marine ecological safety.

Keywords: arsenic; food chain; marine; biomagnification; speciation

砷(As)是一种广泛分布于自然界中的有毒类金 属元素,是危害最严重的环境污染物之一。砷位于 元素周期表中第四周期第五主族元素,主要以+3和 +5 的亚砷酸盐和砷酸盐的形式存在于环境中。砷 主要用于杀虫剂、除草剂、杀真菌剂和土壤消毒剂, 也用来除莠病和消毒种子;工业中也常用来有色金 属的冶炼、半导体元件制造业和净化工业气体 等[1-2]。在综合考虑毒性大小和污染发生频率的基 础上,美国有毒物质与疾病登记署(Agency for Toxic Substances and Disease Registry)和环境保护署(Environmental Protection Agency)将砷排在 2017 年"优先 污染物列表"的首位^[3]。不同来源的砷通过陆地径 流、大气沉降和废水直接排放等途径进入海洋生态 系统,导致砷污染成为近海区域严重的环境问题之 一一一。海洋生物普遍具有较高的砷累积和代谢转化 能力,因而在体内含有高浓度的砷,并主要以有机砷 形态存在。这导致海产品成为许多国家和地区人群 砷摄入的主要来源(在美国和日本超过90%),一直 受到密切关注^[5]。

食物相暴露是海洋捕食者(像腹足类和鱼类等) 累积痕量元素的主要途径⁶⁰,这导致痕量元素沿食 物链进行传递。污染物是否具有生物放大(biomagnification)的能力,是评估其对环境造成危害的重要 依据之一。具有生物放大能力的污染物在沿食物 链/网传递的过程中,会随营养级的增加在生物体内 逐级富集,在高营养级生物中达到较高水平,对生物 与人类健康产生潜在危害,因此其生态风险和人类 健康风险就应当受到格外的关注。有机汞以及持久 性有机污染物(如多氯联苯)等就是典型的具有高生 物放大能力的物质,几十年来已被众多研究所关 注^[7-8]。砷通常不被认为是具有生物放大能力的污染 物,过去的研究发现,砷在淡水和陆地食物链/网中确 实常被生物减小(biodiminution)^[9-10]。然而,近些年不 少研究发现,砷在某些海洋食物链/网中出现了生物 放大的现象。迄今为止,关于砷沿食物链/网传递的 研究却非常匮乏,而且对相关机理的认识也不明确。 因此,本文总结了近20多年来国内外有关砷在典型 海洋生态系统中食物链/网传递作用的相关研究,初 步探讨砷在海洋食物链/网中是否具有生物放大潜力 以及相关砷在不同食物链/网中传递作用的关键核心 与影响因素,有助于加深对砷的生物有效性和生物地 球化学行为的认识,对准确评估预测砷的生态风险和 保障海洋生态安全有十分重要的意义。

1 砷在海洋生态系统中的浓度与形态(Arsenic concentration and speciation in marine ecosystems)

砷具有不同的化学形态(如图1),不同形态砷的 生物毒性具有很大差异。砷在海水和沉积物环境中





主要以无机形态存在,而在海洋生物中已鉴定出 20 多种不同的无机和有机形态,其中无机砷主要包括 高毒性的三价砷[As(III)]和五价砷[As(V)],有机砷包 括低毒的甲基砷(Monomethylarsonate, MMA)、二甲 基砷酸(Dimethylarsinate, DMA)、三甲基砷(Trimethylarsine, TMA),微毒的砷糖(Arsenosugars, AsS)、砷胆 碱(Arsenocholine, AsC)和砷甜菜碱(Arsenobetaine, AsB)等^[11-13]。与大部分重金属通过络合作用形成各 种形态不同,这些有机砷形态为共价键形成的化合 物,具有较为稳定的结构,例如砷甜菜碱即三甲基砷 乙酸酯(CH₃)₃As⁺CH₂COO⁻,由甜菜碱中氮原子被砷 原子取代形成^[13]。

目前有关海洋生物中砷的研究主要集中在对不 同海洋生物中砷的浓度和形态的野外调查^[14-16],有 少量研究通过室内砷暴露模拟实验分析海洋生物对 环境和食物中砷的累积和转化机制^[17-18]。野外调查 显示,通常海水中砷浓度较低(μg·L⁻¹级),但海洋生 物中普遍具有高砷水平,在未受污染的区域处于1 ~100 μg·g⁻¹范围内,在一些污染区域可超过1000 μg·g^{-1[19]}。表1总结了世界范围内海洋生物整体或 肌肉组织中总砷浓度范围和已检出的砷化合物形 态。由于海洋生物组织中总砷浓度差异很大,这里 用几何平均值表征其典型浓度。

在不同类群海洋生物中,海藻和海草中总砷浓 度较低^[21]。海藻中的砷约1%~50%为无机形态, 更多的是以砷糖和甲基砷为主的有机形态^[2027],这 与淡水和陆地植物中以无机砷为主形成鲜明对比。

Table 1

浮游植物与浮游动物处于低等水生食物链,后者常 以前者为食,所以在浮游动物中也可以检测到浮游 植物中出现的砷形态。浮游动物体内的砷形态也间 接反映了其摄食食性,即杂食性种类浮游动物体内 累积 AsB,而食草性浮游动物体内累积砷糖,并将其 转化为微量 AsB^[28-29]。

海洋无脊椎动物累积的砷浓度普遍较高,而多 毛类和腹足类等底栖无脊椎生物具有很高的砷含量 (例如马氏独毛虫 Tharyx marioni 中超过 2 000 µg· g-1和细角螺 Hemifusus ternatanus 中约 300 µg. g-1)^[21]。多毛类动物沙蠋(Arenicola marina)体内的砷 主要为三价砷(58%)和五价砷(16%),有机砷不到 20%;对其进行水相 As(V)暴露后发现该多毛类能 将 As(V)转化成 As(III)和 DMA^[30]。Chen 等^[31]对菲 律宾蛤仔(Ruditapes philippinarum)进行 30 d 无机砷 暴露后发现,鳃部累积的砷显著高于消化腺,蛤体内 砷的主要形态为 AsB 和 DMA;亚细胞分布显示,砷 主要分布在金属硫因蛋白(metallothionein-like proteins, MTLPs)和富金属矿体(metal-rich granules, MRG)中。MTLPs 能够与金属结合从而在细胞内金 属的转运和隔离中发挥重要作用^[32],并增加生物对 砷的耐受能力。

海洋鱼类中的砷浓度范围也非常大,与无脊椎 动物类似,底栖鱼类比浮游鱼类含有更高的砷浓度 (例如孔鰕虎鱼 *Trypauchen vagina* 中高达 134 μg· g^{-1[22]})。砷甜菜碱是绝大多数海洋动物组织中最主 要的砷形态,通常占海洋甲壳类和软体动物组织中

	砷浓度范围/	砷浓度平均值/	
生物类群	(µg·g ⁻¹ ,干重)	(µg·g ⁻¹ ,干重)	砷形态
Biological group	As concentration range/	As concentration average/	As speciation
	$(\mu g \cdot g^{-1}, dry weight)$	$(\mu g \cdot g^{-1}, dry weight)$	
藻类 Algae	0.1 ~35	4.32	As(III) As(V) MMA AsS
海草 Seagrass	0.16 ~ 0.59	0.28	As(III) As(V)
浮游动物 Zooplankton	0.2 ~ 24.4	2.10	As(III) As(V)
多毛类 Polychaetes	5.0 ~2 739	29.19	As(III),As(V),MMA,DMA,AsB
甲壳类 Crustacean	0.1 ~270.5	14.86	As(III) As(V) MMA ASC AsB
双壳类 Bivalve	0.6 ~ 214	10.44	As(III) As(V) MMA AMA AsC AsB AsS
腹足类 Gastropods	8.0 ~ 533	51.97	$As(III)_As(V)_MMA_DMA_AsB$
头足类 Cephalopoda	4.0 ~ 49.5	16.11	$As(III)_As(V)_MMA_DMA_AsB$
浮游鱼类 Planktonic fish	0.5 ~ 7.8	3.28	$As(III) \ As(V) \ MMA \ DMA \ AsC \ AsB$
底栖鱼类 Benthic fish	5.6 ~ 449.5	19.48	$As(III) \ As(V) \ MMA \ DMA \ AsC \ AsB$

表1	海洋生物体内总砷的浓度和所检出的砷化合物形态 ^[20-26]

The total arsenic concentration and arsenic speciation of marine organisms^[20-26]

总砷的 50%~95%,在海洋鱼类组织中占 80~99% 以上。相反,砷在淡水生物中主要以无机砷为主,虽 然也有研究报道砷甜菜碱的存在,但它占总砷的比 例远低于海洋生物^[24]。

海洋鱼类累积砷的生物动力学模型可以描述 为^[33-34]:

 $dC/dt = k_u \times C_w + AE \times IR \times C_f \cdot (k_e + g) \times C$ 式中, dC/dt 为累积速率, k_u 为水相吸收常数; C_w 为 水中砷浓度, AE (assimilation efficiency) 为同化率; IR 为摄食率, C_f 为食物中砷浓度, k_e 为排出速率常数, g 为生长速率, C 为生物体内砷浓度。砷可以通过 水相和食物相进入海洋生物体内, k_u 、AE 和 k_e 是影 响海洋生物体内砷累积的 3 个重要参数, 表 2 列举 了通过室内模拟实验得出的常见海洋生物中的生物 动力学参数。海洋鱼类对水相砷的吸收速率远小于 小型底栖生物, 尤其是在双壳类中, 砷的水相吸收速 率和同化率较高, 而排出速率相对较低, 说明其对砷 的累积能力较强, 这也与调查中发现的小型底栖生 物高砷含量一致。

引起海洋无脊椎动物和鱼类组织中砷浓度变化 的原因尚不完全清楚,但可能与环境条件(温度、盐 度和磷酸盐等)引起的砷的生物可利用性变化以及 物种间差异有关。Larsen 和 Francesconi^[40]发现波罗 的海和北海海域鱼类体内总砷浓度(0.04~10.9 μg・ g⁻¹,湿重)与盐度(8%α~32%α)之间存在显著的正相 关关系(P<0.001)。底鳉(Fundulus heteroclitus)对水 相砷的浓缩因子(concentration factor, CF)与盐度呈正 相关的关系^[36]。Wu等^[41]发现盐度不仅影响 As(V)对 菲律宾蛤仔体内氧化应激压力和抗氧化酶系统活 性,还干扰渗透压调节和能量代谢。磷酸盐(PO₄³)水 平会影响海洋浮游植物杜氏藻(Dunaliella tertiolecta) 体内砷的循环^[42]。

虽然目前有关海洋生物砷含量和形态的数据很 多,但是由于这些研究通常仅针对一种或数种生物 开展,而这些生物又受到各自所处不同环境条件的 影响而具有很大的砷浓度范围,因此很难根据这些 数据分析不同营养级生物对于砷累积的差异性,只 有针对特定生态系统中较完整的食物链进行调查研 究,才能反映砷沿食物链传递的特征和规律。

2 砷在海洋食物链/网中的生物放大潜力(Arsenic biomagnification potential along food chains/web)

生物放大(biomagnification)一般是指化学物质 在生物摄食作用下,导致了生物体内化学物质的浓 度高于食物中的浓度的现象。也有一些学者将生物 放大现象定义为浓度随营养级的增加而升高,当生 物放大系数(biomagnification factor, BMF)大于1时, 这个物质就被生物放大。前者将浓度的升高限制在 食物相暴露的因素下,而后者的影响因素包括通过 水相暴露和食物相暴露,其中生物从水相吸收污染 物的过程称为生物浓缩(bioconcentration)^[43]。由于 海洋动物中的砷累积主要由食物相获得^[35-39],所以 对于海洋食物链而言,这2种定义下的砷生物放大 作用差异不大。

表 3 总结了砷在不同类型海洋生态系统中沿食物链传递的数据。这些研究较为综合地分析了某一特定生态系统中环境(海水和沉积物)中砷的背景浓度和不同类群生物中的砷含量,同时部分研究通过氮稳定同位素(δ¹⁵N)确定了这些生物的营养级,可较有效反映砷在自然状况下的食物链传递行为。从表中可以发现,不同类型的生态系统中砷的食物链/网的传递存在明显的差异。总体上说,砷在水生生

	1			
类群	种名	$k / (\mathbf{I} \cdot \mathbf{q}^{-1} \cdot \mathbf{d}^{-1})$	ΔE/%	k /d-1
Group	Species	\mathbf{x}_{u} (L·g ·u)	AL//0	K _e /u
鱼类 Fish	细鳞鯻 ^[35] (Terapon jarbua) ^[35]	0.0015	5.5	0.03
鱼类 Fish	底鳉 ^[36] (Fundulus heteroclitus) ^[36]	0.0006	-	-
鱼类 Fish	诸氏鲻鰕虎鱼 ^[37] (Mugilogobius chulae) ^[37]	0.0019	18.7	0.24
多毛类 Polychaete	沙蠋 ^[38] (Arenicola marina) ^[38]	0.1648	7.8	0.0478
多毛类 Polychaete	沙蚕 ^[39] (Nereis diversicolor) ^[39]	0.057	0.289	0.0488
双壳类 Bivalve	蛤 ^[18] (Scrobicularia plana) ^[18]	3.954	40	0.023

表 2 海洋生物中砷累积的生物动力学参数

Biokinetics parameters of As bioaccumulation in marine organisms

注: k_u 为水相吸收常数;AE为同化率; k_e 为排出速率常数。

Table 2

Note: k_u stands for waterborne uptake rate constant; AE stands for assimilation efficiency; k_e stands for efflux rate constant.

58				生	态毒	理 学	≥ 报				第14卷
	备注 Notes	底栖食物链 Benthic food chain		浮游食物链 A pelagic food chain			极地 Polar region	极地,底栖食物链 Polar region; benthic food chain			
	营养级传递趋势 Trophic transfer trend	生物放大趋势 Biomagnification trend	生物放大 Biomagnification	无明显趋势 No obvious trend	生物减小 Biodiminution	生物放大 Biomagnification	无明显趋势 No obvious trend	无明显趋势 No obvious trend	生物放大趋势 Biomagnification trend	生物放大趋势 Biomagnification trend	无明显趋势 No obvious trend
osystems	TMF*	1.12	1.70	1.01	0.49	126	1.03	#	1.11	1.12	0.98
充汇总 aquatic eco	Ь	0.258	<0.01	0.588	<0.01	<0.05	0.507	N	NA	0.264	167.0
.食物链/网传递研∃ unsfer in different	生态系统类型 Ecosystem type	奄祥 Marine	海洋 Marine	诲洋 Marine	诲洋 Marine	诲湾 Bay	诲湾 Bay	海 Bay	珊瑚礁 Coral reef	∛न∏ ⊟ Estuary	∤न्∏ Estuary
表 3 神治不同水生生态系统 Table 3 Summary of arsenic trophic tra	采样类群 Sampling group	双壳类、腹足类、海星、海葵 Bivalve, Gastropod, Actinaria, Asteroidea	底层鱼类 Demersal fish	浮游植物、浮游动物、糠虾、鲱鱼 Phytoplankton, Zooplankton, Mysis and Herring	沉积物、大型藻、海草、无脊椎动物、鱼 Sediment, Macroalgae, Seagrasses, Invertebrates, Fish	浮游动物、头足类、鱼类 Zooplankton, Cephalopod and Fish	无脊椎动物、鱼类、鸟、哺乳类 Invertebrates, Fish, Bird and Mammal	大型藥、端足类、海胆、腹足类、蛇尾、等足类、纽虫 Macroalgae, Amphipod, Echinoid, Gastropod, Ophiuroid, Isopod, Nemertean	藻类、无脊椎动物、鱼类 Algae, Invertebrates and Fish	无脊椎动物、鱼 Invertebrates and Fish	无脊椎动物、鱼 Invertebrates and Fish
	时间 Time	2011.8	2002.11-12	1991—1993	2006.7	2011.8, 2012.9	1998.3	2012	2011	2014.8	2014.8
	研究区域 Sampling area	中国大鹿岛 ^[46] Deer Island, China ^[46]	苏禄海 ^[47] Sulu Sea ^[47]	波罗的海 ^[57] Baltic Sea ^[57]	意大利沿海区域 ^[44] Coastal area, Italy ^[44]	日本骏河湾 ^[45] Suruga Bay, Japan ^[45]	北极巴芬湾 ^[49] Baffin Bay ^[49]	南极阿德默勒尔蒂湾 ^[50] Admiralty Bay, Antarctica ^[50]	新喀里多尼亚珊瑚礁 ^[48] Coral reef, New Caledonia ^[48]	黄河河口 ^[58] Yellow River Estuary, China ^[58]	大江河河口 ^[99] Daliao River Estuary, China ^[59]

续表3						
研究区域	时间	采样类群	生态系统类型	a TME	营养级传递趋势	备注
Sampling area	Time	Sampling group	Ecosystem type	P IMF	Trophic transfer trend	Notes
孟加拉湾孙德尔本斯 ^[60] Sundarbans mangrove ecosystem, Bangladesh ^[60]	2011.12	植物、浮游动物、甲壳类、鱼 Plants, Zooplankton, Crustaceans and Fish	红树林 Mangrove	NA	无明显趋势 No obvious trend	
越南巴地头顿省 ^[61] Tropical mangrove ecosystem, Vietnam ^[61]	2007.3	悬浮颗粒物、头足类、甲壳类、鱼 Suspended particulate matter (SPM), Cephalopod, Crustacean and Fish	红树林 Mangrove	0.566 1.00	无明显趋势/局部生物放大 No obvious trend/partly biomagnification	
澳大利亚麦格理河口 ^[51] Lake Macquarie Estuary, Australia ^[51]	2006.7	碎屑、浮游动物、自养生物、食草动物、 碎屑动物、食肉动物和杂食动物 Detritus, Zooplankton, Autotrophs, Herbivores, Detritivores, Carnivores, Omnivore	海草床 Seagrass	ΥN	局部生物放大 Partly biomagnification	
阿根廷圣罗克水库 ^[53] San Roque Reservoir, Argentina ^[33]	2012.3	浮游生物、虾、鱼 Plankton, Shrimp and Fish	淡水 Freshwater	<0.01 0.890	生物减小 Biodiminution	
意大利马里内罗谢 ^[55] The Marinello ponds, Italy ^[55]	2009.5	植物、无脊椎动物、鱼 Plants, Invertebrates, Fish	淡水 Freshwater	<0.01 0.779	生物减小 Biodiminution	
阿根廷巴塔哥尼亚山湖泊 ^[54] Patagonia mountain lake, Argentina ^[54]	2004—2009	浮游生物、底栖生物、鱼、植物 Plankton, Benthic organisms, Forage fish and Plants	淡水 Freshwater	<0.00 0.602	生物减小 Biodiminution	
加拿大耶洛奈夫 ^[52] Yellowknife, Canada ^[52]	2010.6	浮游植物、浮游动物 Plankton, Zooplankton	淡水 Freshwater	NA	生物减小 Biodiminution	浮游食物链 Planktonic food chain
阿根廷科尔多瓦 ^[56] Córdoba, Argentina ^[56]	2015.8	浮游植物、虾、鱼 Plankton,Shrimp and Fish	淡水 Freshwater	<0.01 0.851	生物减小 Biodiminution	
注:# NA 表示无有效数据; TMF 表) Notes: # NA means no valid data; TN	示营养级放大系	线f、。 phic magnification factor.				



注:(A)生物减小、(B)生物放大、(C)无显著趋势、(D)局部环节生物放大。 Fig. 2 The mode pattern of arsenic transfer along food chains/webs Note: (A), biodiminution; (B), biomagnification; (C), no significant trend; (D), biomagnification in part of food chains.

态系统中的食物链传递可以归纳为图 2 中的 4 种模式,即生物减小、生物放大、无显著趋势和局部环节 生物放大。

在海洋生态系统中,仅发现砷在意大利南部沿 岸区域有显著生物减小的现象[44],研究人员对7种 大型海藻、2种海草、5种无脊椎动物、9种鱼类和2 种鸟类(羽毛)进行采样分析后发现,砷在沉积物、大 型藻类和海草中的浓度最高(分别高达11.8、35.4 和 17.4 μg·g⁻¹),然后随着营养水平的增加而减少,在 三级消费者和顶级捕食者(鱼类和鸟类)中的 As 浓 度低于 2 μg·g⁻¹,这些不同生物中 As 浓度的对数值 $(Log_{10}As)$ 与 $\delta^{15}N$ 之间呈现出显著的负相关性,清晰 地表明砷在该食物网中的生物减小作用。需要指出 的是,这一研究区域严格上说并不是一个单一的食 物链/网,而是一个开放区域的生物集合,因此其结 果可能无法反映真实的砷食物链传递结果。相反, 砷在其他的海洋生态系统中的食物链传递主要呈现 出生物放大(图2B)、无显著趋势(图2C)和局部环节 生物放大(图 2D)等多种现象。在日本骏河湾生态 系统中发现生物(浮游动物、头足类和鱼类)体内砷 含量(Log10As)与营养级(δ15N值)呈显著正相关(P< 0.05),有着明确的生物放大作用[45]。砷在中国大鹿 岛底栖食物链中也存在一定的生物放大趋势^[46]。苏 禄海底层鱼类体内砷含量(Log₁₀As)与营养级(δ¹⁵N 值)之间同样存在显著的正相关(*P*<0.01),且 BMF 达 1.70^[47]。在珊瑚礁生态系统中,砷则出现了生物放 大的趋势^[48]。在南极和北极的极地海洋性生态系统 中,砷的浓度与营养级之间无显著相关性^[49-50]。

在沿海的浅海生态系统(包括河口、红树林和盐 沼海草床等),砷同样表现出了生物放大的潜能。 Barwick 等^[51]对澳大利亚温带河口海草生态系统中 食物网的研究发现,在碎屑、浮游动物、自养生物、食 草动物、碎屑动物、食肉动物和杂食动物间的 35 条 经验食物链中有 19 条出现砷浓度从被捕食者到捕 食者增加的现象;在浮游动物(2.1 $\mu g \cdot g^{-1}$)→浮游双 壳类动物(4.8 $\mu g \cdot g^{-1} \pm 0.9 \ \mu g \cdot g^{-1}$)→肉食性鱼(6.2 μg $\cdot g^{-1} \pm 0.4 \ \mu g \cdot g^{-1}$)和碎屑(6 $\mu g \cdot g^{-1} \pm 3 \ \mu g \cdot g^{-1}$)→杂食 性虾(8 $\mu g \cdot g^{-1} \pm 1 \ \mu g \cdot g^{-1}$)→杂食性鱼(11 $\mu g \cdot g^{-1} \pm 2 \ \mu g \cdot g^{-1}$)2 条食物链中观察到 As 的生物放大,而这 2 条食物链都属于底栖食物链。

砷在淡水生态系统中的食物链传递研究相对较少,但是都一致地表现出显著的生物减小作用(图 2A),仅在 BMF 值上有所差异^[52-56]。例如,在阿根廷 的一个湖泊调查中发现,砷在由浮游植物、底栖生 物、鱼和植物组成的食物网中出现显著的生物减小现象(P<0.01)^[54]。

从这些研究结果中不难发现,砷沿海洋食物链/ 网传递具有一定的复杂性,但是普遍具有随营养级 升高维持高生物累积或生物放大的潜力,与淡水食 物链/网中砷的生物减小形成显著的对比。然而,这 些研究均存在一定的局限性(例如采样没有覆盖主 要生物类群,没有用δ¹⁵N确定生物营养级,缺少对 同一生态系统的重复性调查等),造成研究结果的诸 多不确定性,使得砷在海洋食物链/网中是否生物放 大仍然存在疑问。更重要的是这些研究基本都没有 对不同砷形态进行分析,而砷形态的区别恰恰是海 洋生物和淡水生物最大的差异,很可能是解析砷在 海洋生态系统中生物放大潜力的关键因素。

3 砷在海洋食物链/网中生物放大潜力的可能机制 (Possible mechanisms of arsenic biomagnification potential along food chains/web)

目前已有研究从生物动力学角度来分析无机砷 的食物链传递,在几种海洋鱼类和无脊椎动物中测 定了控制食物链传递的2个参数(同化率和排出 率),通过模型计算表明,无机砷难以在食物链中被 生物放大^[18,35,37]。Zhang等^[62]研究了蛤和多毛类对 沉积物中砷的生物动力学和生物可利用性,发现生 物对砷的累积与沉积物中砷的形态有关,砷甜菜碱 是有机砷中同化效率最高的形态,而As(III)的同化 效率较低且排出速率较快。海洋鱼类对痕量元素的 同化率受被捕食者亚细胞痕量元素的分布以及鱼类 的摄食过程所影响^[63],而不同的食物对海洋鱼类 As 的生物有效性和生物累积存在显著的影响作用^[64]。 痕量元素能够在底栖食物链中生物放大的主要原因可能是腹足类能够有效吸收食物中的痕量元素,而浮游生物食物网生物减小的发生则可能是其对痕量 元素较低的同化率和较高的排出率^[65]。

因此,砷的生物放大作用很可能是由有机砷的 食物链传递作用所引起的。痕量元素的有机形态通 常比无机形态具有更高的生物可利用性和食物链传 递能力,其中了解最多的为汞。有机汞(以甲基汞为 主)具有很强的亲脂性,可以直接通过细胞膜结构进 入细胞并与生物分子结合,因此具有比无机汞更高 的生物可利用性。而甲基汞的生物放大作用也远超 无机汞,是痕量元素生物放大的最典型案例⁷⁷。由 此,有机砷可能比无机砷更容易被生物放大,这在一 定程度上解释了砷在海洋和淡水生态系统中食物链 传递的差异现象。在越南南部沿海的红树林生态系 统中通过对悬浮颗粒物、头足类、甲壳类和鱼类的调 查后发现,尽管总砷浓度(Log₁₀As)与营养级(δ¹⁵N 值)之间没有显著的相关性(P=0.556),但生物体内 的砷甜菜碱出现了明显的生物放大现象(TMF= $1.30, P < 0.01)^{[61]}$

海洋鱼类和贝类普遍具有将从环境中吸收的无 机砷通过生物转化合成砷甜菜碱的能力(如图 3),这 种生物转化过程包括 As(V)还原为 As(III),As(III)甲 基化至一甲基砷和二甲基砷,以及经过后续未知的 过程合成砷甜菜碱^[66-68]。砷甜菜碱的合成,有助于 海洋鱼类将砷累积在体内,从而达到较高富集的结 果。在这种生理作用下,当鱼类长期暴露在高无机 砷环境中时,导致的结果是较高砷甜菜碱的富集,这 也是鱼类的一项重要解毒机制^[69]。在温带海洋盐沼 系统中,植物体内砷主要为无机砷,但摄食这些植物



Fig. 3 Arsenic biotransformation of marine fish^[67]

的动物体内砷的主要形态为砷甜菜碱和砷糖为主的 有机砷,说明动物将吸收的无机砷生物转化成了有 机砷^[70]。Zhang等^[37]通过构建了2条底栖食物链 (沉积物—沙蚕 Nereis succinea—诸氏鲻鰕虎鱼和沉 积物—蛤 Gafrarium tumidum—鰕虎鱼)研究了砷沿 底栖食物链的传递和生物转化作用,发现蛤对砷的 吸收效率分别为35%~65%,沙蚕对砷的吸收效率 分别为52%~73%,从而造成沙蚕比蛤具备更高的 砷累积能力;同时,在沉积物中砷的形态以无机砷为 主,到初级消费者体内砷甜菜碱成为主要形态,再到 鱼类体内砷甜菜碱可以占到95%以上,说明无机砷 在底栖食物链中被高效转化,并主要发生在初级消 费者环节,该结果也印证了As在底栖食物链中存 在更大生物放大潜能。

当砷从不同的饵料生物传递到海洋鱼类时,饵 料中的有机砷比例与总砷的营养级放大系数(TMF) 呈现显著的正相关,表明海洋生物中有机砷比无机 砷具有更高的食物链传递能力,可以导致海洋鱼类 富集更高浓度的砷^[64]。Zhang 等^[67]研究了海洋鱼类 (草食性篮子鱼 Siganus fuscescens 和肉食性鲈鱼 Lateolabrax japonicus)对砷的营养转化和生物可利用 性,发现食物中的无机砷较难被海洋鱼类吸收,而是 在体内被生物转化成了有机砷,而食物中的砷甜菜 碱可直接通过消化器官的上皮细胞被鱼类吸收,成 为鱼体内砷的最终存储形态。对澳大利亚红树林的 调查显示,红树林生态系统中的动物主要从食物中 吸收有机砷(砷甜菜碱和砷核糖等)^[71]。长期砷甜菜 碱的暴露会导致大西洋鲑鱼(Salmo salar)和大西洋 鳕鱼(Gadus morhua)肌肉中砷浓度显著增加^[72]。目 前关于有机砷食物链传递的生物动力学研究较少, 因此需要对有机砷(特别是砷甜菜碱)的生物累积动 力学参数进行量化解析,厘清其对总砷食物链/网传 递的贡献。

除了生物体中的砷形态(内因)可能直接作用于 砷的食物链传递以外,海洋生态系统中的生物和环 境因素(外因)也可能对其造成影响。环境因素如温 度、浊度、营养盐和光照等可影响生物中的砷形态, 间接作用于砷的食物链传递;也可能通过影响生物 的生长速率和代谢率(特别是小个体生物),间接影 响砷的摄入、代谢和排泄^[73-74],这些作用可综合体现 在砷生物累积的季节变化上。盐度能够影响大亚湾 几种常见鱼类和甲壳类体内砷的累积,尤其是砷甜 菜碱的浓度;同时沉积物中高砷的浓度对海洋鱼类 体内砷的累积也有重要影响^[75]。室内实验也证明高 盐度会导致贻贝(*Mytilus edulis*)对砷甜菜碱的高累 积^[76]。有研究认为海藻通过细胞磷酸盐转运系统累 积海水中的砷酸盐,但是其体内的砷糖水平更主要 是受到海水中氮盐的影响^[77]。食物网中生物组成的 不同与所处环境的差异也会对砷的食物链传递产生 影响。底栖无脊椎动物和鱼类往往比游泳生物含有 更高浓度的砷,除了物种差异的原因外,还包括不同 生物类群的食性不同,食物中砷浓度和形态的差异 也会对砷的累积产生差异,因此,当食物网中生物组 成偏向于底栖食性时,可能会导致更大的生物放大 潜力^[37,62]。因此,当研究砷的食物链传递时,不能仅 着眼于砷本身而忽视了其他环境因素的作用。

4 总结与展望(Summary and prospect)

海洋生物普遍具有高含量的砷,这些砷主要为 低毒性的有机砷形态。砷在淡水生态系统中普遍生 物减小,但是在海洋生态系统中出现了一定的生物 放大潜力。海洋鱼类和贝类普遍具有将从环境中吸 收的无机砷通过生物转化合成砷甜菜碱的能力,有 机砷比无机砷具有更高的食物链传递能力,可以导 致海洋鱼类富集更高浓度的砷。因此,有机砷的存 在可能有助于砷沿着海洋食物链/网富集,在某些情 况下被生物放大。但是目前关于砷在海洋生态系统 中生物放大潜力及机制的研究较为匮乏,今后应该 从一下几个方向开展:

(1)不同砷形态如何在海洋食物链/网中传递的 研究。目前关于砷在生态系统中的传递主要是关于 总砷的研究,缺乏对不同砷形态在传递的过程中累 积、传递和转化的研究工作。

(2)砷在海洋生态系统中生物放大潜力的影响因素。过去主要关注痕量元素在生态系统中传递的调查工作,应该系统地研究砷在不同海洋食物链/网中从初级生产者到高营养级生物中的行为,通过比较不同物种对砷累积的差异以及不同食物链之间的异同,厘清引起砷生物放大的关键因素。

(3)砷甜菜碱合成关键基因及其调控机制的研究。海洋鱼类能累积较高含量的砷,其中的砷主要为砷甜菜碱,所以应该采用分子生物学等方法研究 砷甜菜碱合成的关键基因和调控机制,阐明海洋生物高砷累积的调控机制。

(4)室内模拟实验与野外调查相结合,通过不同 砷形态食物链传递的室内实验来验证砷形态是否是 导致海洋生态系统中砷放大的关键原因,同时验证 相应的环境影响因素,最终阐明不同砷形态的食物 链传递作用及其对砷生物放大的影响,对于准确评 估砷的生态风险,进一步阐明砷元素的生物地球化 学过程有着重要作用。

通讯作者简介:张黎(1981—),男,研究员,主要研究方向为海 洋生态毒理学,发表学术论文 30 余篇。

参考文献(References):

- Bissen M, Frimmel F H. Arsenic—A review. Part I: Occurrence, toxicity, speciation, mobility [J]. Acta Hydrochimica et Hydrobiologica, 2003, 31(1): 9-18
- [2] Mandal B K, Suzuki K T. Arsenic round the world: A review [J]. Talanta, 2002, 58(1): 201-235
- [3] ATSDR. The ASTDR 2017 substance priority list [EB/ OL] (2017-09-25) [2018-11-06]. https://www.atsdr.cdc. gov/spl/index.html
- [4] Smedley P L, Kinniburgh D G. A review of the source, behaviour and distribution of arsenic in natural waters [J]. Applied Geochemistry, 2002, 17(5): 517-568
- [5] Borak J, Hosgood H D. Seafood arsenic: Implications for human risk assessment [J]. Regulatory Toxicology and Pharmacology, 2007, 47(2): 204-212
- [6] Wang W X. Dietary toxicity of metals in aquatic animals: Recent studies and perspectives [J]. Chinese Science Bulletin, 2013, 58(2): 203-213
- [7] Lavoie R A, Jardine T D, Chumchal M M, et al. Biomagnification of mercury in aquatic food webs: A worldwide meta-analysis [J]. Environmental Science & Technology, 2013, 47(23): 13385-13394
- [8] Fisk A T, Hobson K A, Norstrom R J. Influence of chemical and biological factors on trophic transfer of persistent organic pollutants in the northwater polynya marine food web [J]. Environmental Science & Technology, 2001, 35 (4): 732-738
- [9] Huang J H. Arsenic trophodynamics along the food chains/webs of different ecosystems: A review [J]. Chemistry and Ecology, 2016, 32(9): 803-828
- [10] Pereira A A, Van Hattum B, de Boer J, et al. Trace elements and carbon and nitrogen stable isotopes in organisms from a tropical coastal lagoon [J]. Archives of Environmental Contamination and Toxicology, 2010, 59 (3): 464-477
- [11] Oremland R S, Stolz J F. The ecology of arsenic [J]. Science, 2003, 300(5621): 939-944
- [12] Duncan E G, Maher W A, Foster S D. The formation and fate of organoarsenic species in marine ecosystems: Do

existing experimental approaches appropriately simulate ecosystem complexity? [J]. Environmental Chemistry, 2015, 12(2): 149-162

- [13] Chou C H S J, Harper C. Toxicological profile for arsenic [R]. U.S. Dept. of Health and Human Services, Public Health Service, Agency for Toxic Substances and Disease Registry, 2007
- [14] Liu Y, Liu G, Yuan Z, et al. Presence of arsenic, mercury and vanadium in aquatic organisms of Laizhou Bay and their potential health risk [J]. Marine Pollution Bulletin, 2017, 125(1): 334-340
- [15] Riani E, Cordova M R, Arifin Z. Heavy metal pollution and its relation to the malformation of green mussels cultured in Muara Kamal waters, Jakarta Bay, Indonesia [J]. Marine Pollution Bulletin, 2018, 133: 664-670
- [16] Maher W, Waring J, Krikowa F, et al. Ecological factors affecting the accumulation and speciation of arsenic in twelve Australian coastal bivalve molluscs [J]. Environmental Chemistry, 2018, 15(2): 46-57
- [17] Zhang S Y, Sun G X, Yin X X, et al. Biomethylation and volatilization of arsenic by the marine microalgae *Ostreococcus tauri* [J]. Chemosphere, 2013, 93(1): 47-53
- [18] Kalman J, Smith B D, Bury N R, et al. Biodynamic modelling of the bioaccumulation of trace metals (Ag, As and Zn) by an infaunal estuarine invertebrate, the clam *Scrobicularia plana* [J]. Aquatic Toxicology, 2014, 154: 121-130
- [19] Glabonjat R A, Raber G, Van Mooy B A S, et al. Arsenobetaine in seawater: Depth profiles from selected sites in the North Atlantic [J]. Environmental Science & Technology, 2018, 52(2): 522-530
- [20] Navratilova J, Raber G, Fisher S J, et al. Arsenic cycling in marine systems: Degradation of arsenosugars to arsenate in decomposing algae, and preliminary evidence for the formation of recalcitrant arsenic [J]. Environmental Chemistry, 2011, 8(1): 44-51
- [21] Neff J M. Ecotoxicology of arsenic in the marine environment [J]. Environmental Toxicology and Chemistry, 1997, 16(5): 917-927
- [22] Zhang W, Wang W X. Large-scale spatial and interspecies differences in trace elements and stable isotopes in marine wild fish from Chinese waters [J]. Journal of Hazardous Materials, 2012, 215-216: 65-74
- [23] Zhang W, Wang W X, Zhang L. Arsenic speciation and spatial and interspecies differences of metal concentrations in mollusks and crustaceans from a South China estuary [J]. Ecotoxicology, 2013, 22(4): 671-682
- [24] Azizur Rahman M, Hasegawa H, Peter Lim R. Bioaccu-

mulation, biotransformation and trophic transfer of arsenic in the aquatic food chain [J]. Environmental Research, 2012, 116: 118-135

- [25] Krishnakumar P K, Qurban M A, Stiboller M, et al. Arsenic and arsenic species in shellfish and finfish from the western Arabian Gulf and consumer health risk assessment [J]. Science of the Total Environment, 2016, 566: 1235-1244
- [26] Schmidt L, Landero J A, Novo D L, et al. A feasible method for as speciation in several types of seafood by LC-ICP-MS/MS [J]. Food Chemistry, 2018, 255: 340-347
- [27] Li W H, Wei C, Zhang C, et al. A survey of arsenic species in Chinese seafood [J]. Food and Chemical Toxicology, 2003, 41(8): 1103-1110
- [28] Wang N X, Li Y, Deng X H, et al. Toxicity and bioaccumulation kinetics of arsenate in two freshwater green algae under different phosphate regimes [J]. Water Research, 2013, 47(7): 2497-2506
- [29] Edmonds J S, Francesconi K A, Cannon J R, et al. Isolation, crystal-structure and synthesis of arsenobetaine, arsenical constituent of western rock lobster *Panulirus longipes cygnus* George [J]. Tetrahedron Letters, 1977(18): 1543-1546
- [30] Geiszinger A E, Goessler W, Francesconi K A. The marine polychaete *Arenicola marina*: Its unusual arsenic compound pattern and its uptake of arsenate from seawater [J]. Marine Environmental Research, 2002, 53(1): 37-50
- [31] Chen L Z, Wu H F, Zhao J M, et al. The role of GST omega in metabolism and detoxification of arsenic in clam *Ruditapes philippinarum* [J]. Aquatic Toxicology, 2018, 204: 9-18
- [32] Klaassen C D, Liu J, Choudhuri S. Metallothionein: An intracellular protein to protect against cadmium toxicity [J]. Annual Review of Pharmacology and Toxicology, 1999, 39(1): 267-294
- [33] Thomann R V. Equilibrium model of fate of microcontaminants in diverse aquatic food chains [J]. Canadian Journal of Fisheries and Aquatic Sciences, 1981, 38(3): 280-296
- [34] Wang W X, Fisher N S. Modeling metal bioavailability for marine mussels [J]. Reviews of Environmental Contamination and Toxicology, 1997, 151: 39-65
- [35] Zhang W, Huang L M, Wang W X. Arsenic bioaccumulation in a marine juvenile fish *Terapon jarbua* [J]. Aquatic Toxicology, 2011, 105(3): 582-588
- [36] Dutton J, Fisher N S. Salinity effects on the bioavailability of aqueous metals for the estuarine killifish *Fundulus heteroclitus* [J]. Environmental Toxicology and Chemistry,

2011, 30(9): 2107-2114

- [37] Zhang W, Zhang L, Wang W X. Prey-specific determination of arsenic bioaccumulation and transformation in a marine benthic fish [J]. Science of the Total Environment, 2017, 586: 296-303
- [38] Casado-Martinez M C, Smith B D, Luoma S N, et al. Bioaccumulation of arsenic from water and sediment by a deposit-feeding polychaete (*Arenicola marina*): A biodynamic modelling approach [J]. Aquatic Toxicology, 2010, 98(1): 34-43
- [39] Rainbow P S, Smith B D, Casado-Martinez M C. Biodynamic modelling of the bioaccumulation of arsenic by the polychaete *Nereis diversicolor* [J]. Environmental Chemistry, 2011, 8(1): 1-8
- [40] Larsen E H, Francesconi K A. Arsenic concentrations correlate with salinity for fish taken from the North Sea and Baltic Waters [J]. Journal of the Marine Biological Association of the United Kingdom, 2003, 83(2): 283-284
- [41] Wu H F, Liu X L, Zhang X Y, et al. Proteomic and metabolomic responses of clam *Ruditapes philippinarum* to arsenic exposure under different salinities [J]. Aquatic Toxicology, 2013, 136-137: 91-100
- [42] Duncan E G, Maher W A, Foster S D, et al. The influence of arsenate and phosphate exposure on arsenic uptake, metabolism and species formation in the marine phytoplankton *Dunaliella tertiolecta* [J]. Marine Chemistry, 2013, 157: 78-85
- [43] Gray J S. Biomagnification in marine systems: The perspective of an ecologist [J]. Marine Pollution Bulletin, 2002, 45(1-12): 46-52
- [44] Vizzini S, Costa V, Tramati C, et al. Trophic transfer of trace elements in an isotopically constructed food chain from a semi-enclosed marine coastal area (Stagnone di Marsala, Sicily, Mediterranean) [J]. Archives of Environmental Contamination and Toxicology, 2013, 65(4): 642-653
- [45] Sakata M, Miwa A, Mitsunobu S, et al. Relationships between trace element concentrations and the stable nitrogen isotope ratio in biota from Suruga Bay, Japan [J]. Journal of Oceanography, 2015, 71(1): 141-149
- [46] Zhao L Q, Yang F, Yan X W. Biomagnification of trace elements in a benthic food web: The case study of Deer Island (Northern Yellow Sea) [J]. Chemistry and Ecology, 2013, 29(3): 197-207
- [47] Asante K A, Agusa T, Kubota R, et al. Trace elements and stable isotope ratios (δ^{13} C and δ^{15} N) in fish from deep-waters of the Sulu Sea and the Celebes Sea [J]. Marine Pollution Bulletin, 2010, 60(9): 1560-1570

- [48] Briand M J, Bustamante P, Bonnet X, et al. Tracking trace elements into complex coral reef trophic networks [J]. Science of the Total Environment, 2018, 612: 1091-1104
- [49] Campbell L M, Norstrom R J, Hobson K A, et al. Mercury and other trace elements in a pelagic Arctic marine food web (Northwater Polynya, Baffin Bay) [J]. Science of the Total Environment, 2005, 351-352: 247-263
- [50] Majer A P, Petti M A V, Corbisier T N, et al. Bioaccumulation of potentially toxic trace elements in benthic organisms of Admiralty Bay (King George Island, Antarctica)
 [J]. Marine Pollution Bulletin, 2014, 79(1): 321-325
- [51] Barwick M, Maher W. Biotransference and biomagnification of selenium copper, cadmium, zinc, arsenic and lead in a temperate seagrass ecosystem from Lake Macquarie Estuary, NSW, Australia [J]. Marine Environmental Research, 2003, 56(4): 471-502
- [52] Caumette G, Koch I, Estrada E, et al. Arsenic speciation in plankton organisms from contaminated lakes: Transformations at the base of the freshwater food chain [J]. Environmental Science & Technology, 2011, 45 (23): 9917-9923
- [53] Monferrán M V, Garnero P, de los Angeles Bistoni M, et al. From water to edible fish. Transfer of metals and metalloids in the San Roque Reservoir (Córdoba, Argentina). Implications associated with fish consumption [J]. Ecological Indicators, 2016, 63: 48-60
- [54] Revenga J E, Campbell L M, Arribére M A, et al. Arsenic, cobalt and chromium food web biodilution in a Patagonia mountain lake [J]. Ecotoxicology and Environmental Safety, 2012, 81: 1-10
- [55] Signa G, Tramati C D, Vizzini S. Contamination by trace metals and their trophic transfer to the biota in a Mediterranean coastal system affected by gull guano [J]. Marine Ecology Progress Series, 2013, 479: 13-24
- [56] Griboff J, Horacek M, Wunderlin D A, et al. Bioaccumulation and trophic transfer of metals, As and Se through a freshwater food web affected by antrophic pollution in Córdoba, Argentina [J]. Ecotoxicology and Environmental Safety, 2018, 148: 275-284
- [57] Nfon E, Cousins I T, Järvinen O, et al. Trophodynamics of mercury and other trace elements in a pelagic food chain from the Baltic Sea [J]. Science of the Total Environment, 2009, 407(24): 6267-6274
- [58] Liu Y, Liu G J, Yuan Z J, et al. Heavy metals (As, Hg and V) and stable isotope ratios (delta(13)C and delta(15)N) in fish from Yellow River Estuary, China [J]. Science of the Total Environment, 2018, 613-614: 462-471
- [59] Guo B B, Jiao D Q, Wang J, et al. Trophic transfer of

toxic elements in the estuarine invertebrate and fish food web of Daliao River, Liaodong Bay, China [J]. Marine Pollution Bulletin, 2016, 113(1-2): 258-265

- [60] Borrell A, Tornero V, Bhattacharjee D, et al. Trace element accumulation and trophic relationships in aquatic organisms of the Sundarbans mangrove ecosystem (Bangladesh) [J]. Science of the Total Environment, 2016, 545-546: 414-423
- [61] Tu N P C, Agusa T, Ha N N, et al. Stable isotope-guided analysis of biomagnification profiles of arsenic species in a tropical mangrove ecosystem [J]. Marine Pollution Bulletin, 2011, 63(5-12): 124-134
- [62] Zhang W, Wang W-X. Arsenic biokinetics and bioavailability in deposit-feeding clams and polychaetes [J]. Science of the Total Environment, 2018, 616-617: 594-601
- [63] Zhang L, Wang W X. Significance of subcellular metal distribution in prey in influencing the trophic transfer of metals in a marine fish [J]. Limnology and Oceanography, 2006, 51(5): 2008-2017
- [64] Zhang W, Guo Z Q, Zhou Y Y, et al. Comparative contribution of trophic transfer and biotransformation on arsenobetaine bioaccumulation in two marine fish [J]. Aquatic Toxicology, 2016, 179: 65-71
- [65] Wang W X. Interactions of trace metals and different marine food chains [J]. Marine Ecology Progress Series, 2002, 243: 295-309
- [66] Zhang W, Guo Z Q, Zhou Y Y, et al. Biotransformation and detoxification of inorganic arsenic in Bombay oyster *Saccostrea cucullata* [J]. Aquatic Toxicology, 2015, 158: 33-40
- [67] Zhang W, Wang W X, Zhang L. Comparison of bioavailability and biotransformation of inorganic and organic arsenic to two marine fish [J]. Environmental Science & Technology, 2016, 50(5): 2413-2423
- [68] Zhang W, Chen L Z, Zhou Y Y, et al. Biotransformation of inorganic arsenic in a marine herbivorous fish *Siganus fuscescens* after dietborne exposure [J]. Chemosphere, 2016, 147: 297-304
- [69] Chen L Z, Zhang W, Guo Z Q, et al. Effects of acclimation on arsenic bioaccumulation and biotransformation in freshwater medaka *Oryzias mekongensis* after chronic arsenic exposure [J]. Environmental Pollution, 2018, 238: 17-25
- [70] Foster S, Maher W, Taylor A, et al. Distribution and speciation of arsenic in temperate marine saltmarsh ecosystems [J]. Environmental Chemistry, 2005, 2(3): 177-189
- [71] Kirby J, Maher W, Chariton A, et al. Arsenic concentrations and speciation in a temperate mangrove ecosystem,

NSW, Australia [J]. Applied Organometallic Chemistry, 2002, 16(4): 192-201

- [72] Amlund H, Francesconi K A, Bethune C, et al. Accumulation and elimination of dietary arsenobetaine in two species of fish, Atlantic salmon (*Salmo salar* L.) and Atlantic cod (*Gadus morhua* L.) [J]. Environmental Toxicology and Chemistry, 2006, 25(7): 1787-1794
- [73] Chen C Y, Folt C L. Bioaccumulation and diminution of arsenic and lead in a freshwater food web [J]. Environmental Science & Technology, 2000, 34(18): 3878-3884
- [74] Maeda S, Mawatari K, Ohki A, et al. Arsenic metabolism in a freshwater food chain: Blue-green alga (*Nostoc* sp.), shrimp (*Neocaridina denticulata*), carp (*Cyprinus carpio*)
 [J]. Applied Organometallic Chemistry, 1993, 7(7): 467-

476

- [75] Zhang W, Guo Z Q, Song D D, et al. Arsenic speciation in wild marine organisms and a health risk assessment in a subtropical bay of China [J]. Science of the Total Environment, 2018, 626: 621-629
- [76] Clowes L A, Francesconi K A. Uptake and elimination of arsenobetaine by the mussel *Mytilus edulis* is related to salinity [J]. Comparative Biochemistry and Physiology Part C: Toxicology & Pharmacology, 2004, 137(1): 35-42
- [77] Levy J L, Stauber J L, Adams M S, et al. Toxicity, biotransformation, and mode of action of arsenic in two freshwater microalgae (*Chlorella* sp. and *Monoraphidium arcuatum*) [J]. Environmental Toxicology and Chemistry, 2005, 24(10): 2630-2639